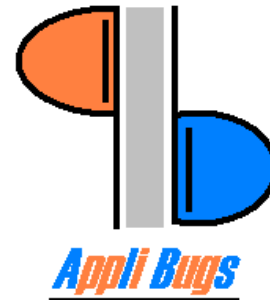


Journée AppliBUGS

Mardi 6 décembre 2016

AgroParisTech, Salle B311

19 av. du Maine, 75015 Paris



(<http://genome.jouy.inra.fr/applibugs/applibugs.welcome.html>)

Programme

- 09h30 – 10h15 : **Le cerveau bayésien : une approche évolutionniste de la cognition**
par Jean Daunizeau
Brain and Spine Institute, ICM, Paris
- 10h15 – 11h00 : **Méta-analyse sur réseau : mise en relation d'informations directes et indirectes. Application au classement d'espèces de culture**
par David Makowski^[1], I. Albert^[2]
[1] UMR Agronomie, AgroParisTech, INRA, Univ. Paris-Saclay, Thiverval-Grignon, [2] UMR MIA-Paris, AgroParisTech, INRA, Univ. Paris-Saclay, Paris
- 11h00 – 11h15 : **Pause**
- 11h15 – 12h00 : **L'astuce bayésienne en test multiple**
par Etienne Roquain
LPAM, Univ. Pierre et Marie Curie, Paris
- 12h00 – 12h45 : **Google PageRank to the rescue of bibliometrics: a brief overview with some random effects and Bayesian flavors**
par Jean-Louis Foulley
Institut montpelliérain Alexander Grothendieck, Montpellier
- 12h45 – 14h00 : **Buffet sur place**
- 14h00 – 14h45 : **Planification d'un essai randomisé bayésien avec critère de survie : spécification du modèle incorporant les données historiques**
par Caroline Brard^[1,2], L. V. Hampson^[3], M.-C. Le Deley^[2], G. Le Teuff^[1,2]
[1] Gustave Roussy, Univ. Paris-Saclay, Service de biostatistique et d'épidémiologie, Villejuif, [2] Univ. Paris-Saclay, Univ. Paris-Sud, UVSQ, CESP, INSERM, Villejuif, [3] Medical and Pharmaceutical Statistics Research Unit, Department of Mathematics and Statistics, Fylde College, Lancaster Univ., Lancaster, UK
- 14h45 – 15h30 : **Estimation bayésienne de l'abondance de tiques *Ixodes ricinus* par « removal sampling »**
par Séverine Bord^[1,2], P. Druilhet^[3], P. Gasqui^[2], D. Abrial^[2], G. Vourc'h^[1]
[1] UMR MIA-Paris, AgroParisTech, INRA, Univ. Paris-Saclay, Paris, [2] Unité Epidémiologie Animale, INRA ARA, Clermont-Ferrand, [3] Laboratoire de Mathématiques, UMR CNRS 6620, Univ. Blaise Pascal, Clermont-Ferrand
- 15h30 – 15h45 : **Pause**
- 15h45 – 16h30 : **Méthodes bayésiennes et adaptatives pour la recherche de dose optimale : le développement clinique précoce de thérapies ciblées en oncologie**
par Pierre Colin^[1,2], M. Delattre^[1], S. Micallef^[2], E. Parent^[1]
[1] UMR MIA-Paris, AgroParisTech, INRA, Univ. Paris-Saclay, Paris, [2] Biostatistique Oncologie, Sanofi R&D, Vitry-sur-Seine
- 16h30 – 17h00 : **Discussion sur la prochaine séance d'Applibugs**