Journée AppliBUGS

Jeudi 13 juin 2019

AgroParisTech, Amphi COLEOU 16 rue Claude Bernard, 75005 Paris





Avec le soutien financier du GDR « Statistique et Santé »

Programme	
- 09h30 – 10h15:	Leave Pima Indians alone: binary regression as a benchmark for Bayesian computation par Nicolas Chopin, ENSAE-CREST
- 10h15 – 11h00:	Bayesian inference using Hamiltonian Monte Carlo algorithm for non-linear joint model: application to the prediction of survival in cancer immunotherapy par Marion Kerioui, INSERM IAME (UMR 1137 Paris-Diderot)
- 11h00 – 11h15:	Pause
- 11h15 – 12h00:	Modèle bayésien non paramétrique de la distribution de sensibilité des espèces par Guillaume Kon Kam King, Università degli Studi di Torino & Collegio Carlo Alberto
- 12h00 – 12h45:	Approche bayésienne robuste et optimisation sur une classe de moment par <u>Jérome Stenger</u> , EDF R&D, Département PRISME
- 12h45 – 14h15:	Déjeuner
- 14h15 – 15h00:	Modelling highly-collinear data: Bayesian profile regression in epidemiology par Silvia Liverani, Queen Mary University of London
- 15h00 – 15h45:	Adaptive tuning of Hamiltonian Monte Carlo within Sequential Monte-Carlo par Alexander Buchholz, BSU MRC University of Cambridge
- 15h45 – 16h00:	Pause
- 16h00 – 16h45:	Loi a priori informée par des connaissances d'experts : application à un modèle de régression sur données fonctionnelles par Paul-Marie Grollemund, Imperial College, London
- 16h45 – 17h00:	Discussion concernant la prochaine journée AppliBUGS

Page web d'AppliBUGS: http://genome.jouy.inra.fr/applibugs.welcome.html