



Journée APPLIBUGS (en distanciel)

Jeudi 24 juin 2021

9h00 - 12h45

Vendredi 25 juin 2021

9h00 - 13h00

Pour se connecter à la conférence

- depuis un ordinateur ou une tablette :

<https://eu.bbcollab.com/guest/9b5f82635ba34b38ac55a5f0f8b8e5f0>

par téléphone (anonyme) :

• numéro: +442033189610

• PIN: 6158793020

Programme Jeudi 24 juin 2021

- 09h00 – 09h45 : **Bayesian meta-anaysis models for cross cancer genomic investigation of pleiotropic effects with group structure** par Benoit Liquet, University de Pau et du Pays de l'Adour
- 09h45 – 10h00 : *Pause*
- 10h00 – 10h45 : **Verifying probabilistic forecasts for categorical outcomes: example of win, draw, loss results in the UEFA CL** par Jean-Louis Foulley
- 10h45 – 11h00 : *Pause*
- 11h00 – 11h45 : **Titre à venir** par Lorelei Guéry, CIRAD
- 11h45 – 12h00 : *Pause*
- 12h00 – 12h45 : **Bayesian varying coefficient model with selection: An application to functional mapping** par Benjamin Heuclin, CIRAD

Programme Vendredi 25 juin 2021

- 09h00 – 09h45 : **Spatiotemporal models highlight influence of oceanographic conditions on common dolphins bycatch risk in the Bay of Biscay** par Lola Gilbert, CEBC CNRS
- 09h45 – 10h00 : *Pause*
- 10h00 – 10h45 : **Integration of presence-only data from several sources. A case study on dolphins' spatial distribution** par Sara Martino, Norwegian University for Science and Technology, Norway
- 10h45 – 11h00 : *Pause*
- 11h00 – 11h45 : **Metapopulation structure predicts population dynamics in the *Cakile maritima* - *Alternaria brassicicola* host-pathogen interaction** par Julien Papaix, INRAE
- 11h45 – 12h00 : *Pause*
- 12h00 – 12h45 : **Clustering Species With Residual Covariance Matrix in Joint Species Distribution Models** par Daria Bystrova, INRIA
- 12h45 – 13h00 : **Discussion concernant la prochaine journée AppliBUGS**

Page web d'AppliBUGS : <http://genome.jouy.inra.fr/applibugs/applibugs.welcome.html>